

***Cadre réservé au rapporteur pour le pointage des pièces justificatives obligatoires***

Titres et diplômes (doctorat pour MC ou attestation d'équivalence) \*, Rapport de soutenance \*, *Curriculum vitae* (2 pages)

, Description synthétique et en français des travaux scientifiques et responsabilités diverses (4 pages), Exemple de travaux (dans la limite de 3)

Attention : \* Ces documents officiels sont à associer d'une traduction en français si nécessaire.

***Informations générales***

<b>Candidat N°</b>	
<b>Prénom(s) et NOM(S)</b>	Morgane PIERRE-JEAN
<b>Âge (date de naissance)</b>	7/07/1988
<b>Nationalité</b>	Francaise

<b>Adresse(s) Téléphone / Fax Courriel</b>	21 rue colas, 91390 Morsang sur Orge 0630621427 mpierrejean.pro@gmail.com
--	---

**Cursus universitaire pré-doctoral**

<b>(Diplôme, Année, Établissement)</b>	Diplome d'ingénieur, 2012 ENSAI Master Statistiques, 2012, Université de Rennes 1 Licence Mathématiques 2009 Université de Rennes 1 • -
--	--

**Thèse**

<b>Titre</b>	Développement de méthodes statistiques pour l'analyse du nombre de copies d'ADN en cancérologie
<b>Période</b>	Octobre 2013- Décembre 2016
<b>Date/lieu de soutenance</b>	2 Décembre 2016 à Evry
<b>Financement</b>	Contrat doctoral
<b>Établissement</b>	Université d'Evry
<b>Laboratoire d'accueil</b>	Laboratoire de Mathématiques et de Modélisation d'Evry
<b>Directeur du Laboratoire</b>	Arnaud Gloter
<b>Responsable HDR</b>	Catherine Matias
<b>Co-encadrant(s)</b>	Pierre Neuvial
<b>Discipline de rattachement</b>	Statistiques pour la biologie
<b>École doctorale</b>	Structure et dynamique des systèmes vivants
<b>Thème(s) traité(s)</b>	Nombre de copies d'ADN en cancérologie, hétérogénéité tumorale.
<b>Techniques maîtrisées</b>	Développements statistiques et bioinformatiques pour l'analyse de puces et de données de séquençage
<b><u>Jury de thèse</u> Président</b>	Francois Radvanyi
<b>Rapporteurs</b>	Anne-Laure Boulesteix, Nancy Zhang et Jean-Philippe Vert
<b>Membres (examinateurs, invités)</b>	Guillemette Marot et Cyril Dalmasso
<b>Mobilité postdoctorale (s'il y a lieu, étapes entre la thèse et la situation actuelle)</b>	

<b>MOBILITE 1</b>	
Statut Période Titre du programme de recherche Financement Établissement Laboratoire d'accueil Directeur du laboratoire Responsable scientifique Techniques maîtrisées	
<b>MOBILITE 2</b>  Statut Période Titre du programme Financement Établissement Laboratoire d'accueil Directeur du laboratoire Responsable scientifique Techniques maîtrisées	
<b>Situation actuelle</b>	

<b>Statut</b>	<p>Doctorat</p> <p>Octobre 2013-Janvier 2017</p>
<b>Période</b>	
<b>Établissement</b>	Université d'Evry
<b>Laboratoire d'accueil</b>	LaMME
<b>Directeur du laboratoire</b>	Arnaud Gloter
<b>Responsable scientifique</b>	Pierre Neuvial
<b>Titre du programme de recherche</b>	Développement de méthodes statistiques pour l'analyse du nombre de copies d'ADN
<b>Financement</b>	Prolongement Contrat doctoral
<b>Techniques maîtrisées</b>	Regression pénalisée, méthode à noyau, développement de packages R, factorisation matricielle, analyse de données de puces SNPs et CGH
<b>Production scientifique</b>	

<p><b>Articles originaux dans des journaux internationaux à comité de lecture</b> (Ne pas indiquer ici les articles de revue)</p> <p><b>Brevet national ou international</b> (indiquer le n° du brevet )</p> <p><b>Autres publications</b> (Articles de revue, chapitres, ouvrages ...)</p> <p><b>Communications orales</b></p> <p><b>Communications affichées (posters)</b></p> <p><b>Autres sections auxquelles la qualification est demandée cette année</b></p> <p><b>Qualification déjà obtenue au CNU au même niveau que la présente candidature (MC ou PR).</b></p>	<p><b>Nombre total : ...1.....</b></p> <p><b>Nombre comme 1<sup>er</sup> auteur : ...1..... ; comme 2<sup>ème</sup> auteur : .....</b></p> <p>Morgane Pierre-Jean, Guillem Rigai, and Pierre Neuvial. Performance evaluation of DNA copy number segmentation methods.</p> <p>(Avril 2015) Non-parametric DNA copy number segmentation using kernels, Statistics and Ge-nomics Seminar, UC Berkeley (USA), invited by Sandrine Dudoit.</p> <p>(Juin 2013) Package R jointSeg: Segmentation de données génomiques en cancérologie, 2èmes Rencontres R, Lyon.</p> <p>(Mai 2013) Change-point detection with kernel methods : application to DNA copy number signals, 45èmes journées de la SFDS, Toulouse.</p> <p>(Janvier 2013) Joint segmentation of total DNA copy number and allelic ratios in cancer samples, SMPGD (Statistical Methods for Post-Genomic Data), Amsterdam.</p> <p>(Novembre 2012) Segmentation de données génomiques en cancérologie, Journée Annuelle du groupe Biopharmacie et Santé de la SFDS, Paris.</p> <p>NON</p> <p><i>N° de section CNU :      Période d'effet :      N° :</i></p> <p><i>N° de section CNU :      Période d'effet :      N° :</i></p> <p><i>N° de section CNU :      Période d'effet :      N° :</i></p>
<p align="center"><b>Enseignement</b></p>	
<p><b>Formation</b> (L,M ; DUT ; Ingénieurs ...)</p> <p><b>Matière</b></p> <p><b>Forme</b> (CM; TD; TP)</p> <p><b>Volume</b></p>	<p>2013-2014: TD de Probabilité et Statistiques. L2 Informatique UEVE- Rappels de probabilités, variables aléatoires réelles, lois continues- 38h</p> <p>2013-2015: TD/TP de Démarche statistiques 1. M1 Biologie UEVE- Statistiques descriptives, tests, initiation au langage R- 32h</p> <p>2013-2014: TD/TP de Démarche statistiques 2. M1 Biologie UEVE- Suites tests, modèles linéaires classiques, langage R- 24h</p> <p>2013: TD/TP de Bases statistiques pour la biologie. Formation doctorale UEVE- Tests, langage R- 16h</p> <p>2013-2015: TD/TP de Modélisation statistique. 1ère année Ecole d'Ingénieur ENSIE- Statistiques descriptives, Maximum de vraisemblance, Estimation, Intervalles de confiance, tests, langage R- 64h</p>

Responsabilités collectives	
Nature	